



令和2年8月27日

各報道機関 御中

宮崎大学企画総務部
総務広報課長

サンゴの天敵・オニヒトデの体表を覆う未知の共在菌をインド・太平洋の広域から発見

拝啓時下ますますご清祥のこととお慶び申し上げます。

日頃より本学の教育・研究についてご理解とご協力を賜り厚く御礼申し上げます。

この度、宮崎大学農学研究科の安田仁奈准教授と台湾アカデミアシニカの和田直久博士、東京工業大学生命理工学院 生命理工学系の伊藤武彦教授・梶谷嶺助教・湯淺英知特別研究員、九州大学大学院医学研究院の林哲也教授・後藤恭宏助教・小椋義俊准教授（現久留米大学教授）、国立遺伝学研究所豊田敦特任教授らは、サンゴの天敵であり、インド・太平洋のサンゴ礁生態系の保全上大きな問題となっているオニヒトデの体表に、既知の海洋細菌と大きく異なる1菌種の細菌が共在菌としてほぼ独占的に存在していること見し、全ゲノム配列を解読しました。

本研究成果は、令和2年8月24日にMicrobiome誌（電子版）に掲載されました。

詳細については別紙をご参照ください。

つきましては、貴社の「インフォメーションコーナー・お知らせコーナー」等に掲載して頂くとともに、取材していただきますようお願いいたします。

敬具

問い合わせ先（研究に関すること）
宮崎大学農学部
海洋生物環境学科
准教授 安田 仁奈
E-mail:nina27@cc.miyazaki-u.ac.jp

発信元
宮崎大学企画総務部総務広報課
TEL：0985-58-7114
FAX：0985-58-2886

サンゴの天敵・オニヒトデの体表を覆う未知の共生菌を

インド・太平洋の広域から発見

概要

宮崎大学農学研究科の安田仁奈准教授と台湾アカデミアシニカの和田直久博士、東京工業大学生命理工学院 生命理工学系の伊藤武彦教授・梶谷嶺助教・湯浅英知特別研究員、九州大学大学院医学研究院の林哲也教授・後藤恭宏助教・小椋義俊准教授(現久留米大学教授)、国立遺伝学研究所豊田敦特任教授らは、サンゴの天敵であり、インド・太平洋のサンゴ礁生態系の保全上大きな問題となっているオニヒトデの体表に、未知の細菌(1菌種)が共生菌としてほぼ独占的に存在していることを発見し、全ゲノム配列を解読しました。ゲノム情報を用いた解析から、この細菌は、これまでに知られているどの細菌とも系統的に大きく異なる新種であると考えられました。さらに紅海からインド洋、太平洋に渡る様々な海域から得られたすべてのオニヒトデに存在することから、オニヒトデがインド洋・太平洋種に種分化する200万年以上前から共生し、オニヒトデと安定な共生関係を築いていると推察されました。様々な海洋生物で、共生細菌が重要な役割を果たす可能性が指摘されていますが、不明な点が多いため、海洋生物と細菌の共生機構の研究を進めるうえで、今回発見したオニヒトデと細菌の共生系は非常に有用なモデルシステムになると期待されます。また、オニヒトデ共生細菌とそのゲノム情報はオニヒトデのモニタリングにも利用でき、大量発生時の早期検出などに活用できる可能性があると考えられます。

この成果は令和2年8月24日に Microbiome 誌(電子版)に掲載されました。本研究は、科学研究費ゲノム支援、先進ゲノム支援 221S0002, 16H06279 (PAGS)、若手研究 B (25870563)、若手研究 A (17H04996)、特別研究員奨励費(18J23317)の支援を受けて行われました。

発表のポイント

- 細菌叢解析により、オニヒトデの体表に未知の細菌が単独に優占していることを発見。
- FISH 法という目的の細菌の部分遺伝子領域を蛍光顕微鏡下で特異的に光らせる技術により、単独の新規細菌がオニヒトデの体表面に膜状を覆うように優占して分布していることを明らかにした。
- 全ゲノム配列を決定し、ゲノム情報を用いた系統解析により、海洋スピロヘータの仲間であるものの既知の細菌とは大きく異なる新種の細菌であることが判明。
- インド・太平洋から得られたオニヒトデ全部で検出されたことから、これらが分岐する

200 万年以上前から共在関係にあると考えられる。

- 細菌の局在性とゲノム配列情報が得られた本共生系は、海洋生物と細菌の共生に関する研究を進める上で、優れたモデル系になると期待される。
- 応用的な意義について：オニヒトデは時に大量発生し、サンゴ礁生態系を脅かすことは知られているが、大量発生を早期に予想・把握することは困難である。オニヒトデと密接に共生するこの細菌を用いて、海水中をモニタリングすることで、大量発生の早期発見すること等にも役立つことが期待される。

<解説>

サンゴの天敵であるオニヒトデの大量発生はインド洋・太平洋に分布するサンゴ礁生態系における最も大きな脅威の一つです。沖縄から本州の温帯域においても慢性化・頻発化しているオニヒトデの大量発生による食害が問題になっています(図1)。



図1：オニヒトデの大量発生（梶原健二博士撮影）

一方で、こうした海洋生物の体表面にはさまざまな細菌が共在していることが近年明らかになってきており、免疫や、栄養の供給、窒素固定などホストの生物にとって重要な機能をもつのではないかとされていますが、実際の機能や役割については殆どわかっていません。オニヒトデにおいても、オニヒトデ自体については多くの研究がなされていたものの、オニヒトデに共生する細菌についてはほとんどわかっていませんでした。

本研究では、まず、オニヒトデの体のさまざまな部位（背中や腕、口側の棘、胃袋、管足）についてどのような細菌がいるか、網羅的に遺伝子配列を解析する細菌叢解析を行いました。その結果、オニヒトデのすべての体表面の組織で、単一の細菌が独占的に存在していることが分かりました（図2の赤色）。これほど高レベルに単一の細菌が見つかることは非常に珍しいことです。

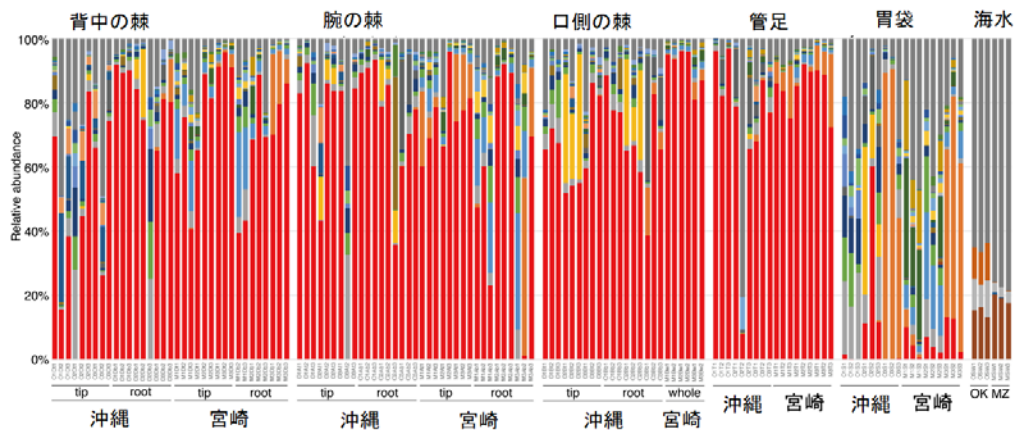


図2 オニヒトデの様々な部位で見つかった細菌の割合。赤で示した細菌が胃袋以外の体表面で、優占している。

さらに、体表面の組織を採集し、FISH法と呼ばれる方法で、この細菌の遺伝子を特異的に赤く光らせたところ、図3のように、体表面の最表面に存在するクチクラ層と実質組織の間の空間にみっしりと膜状に分布していることがわかりました。

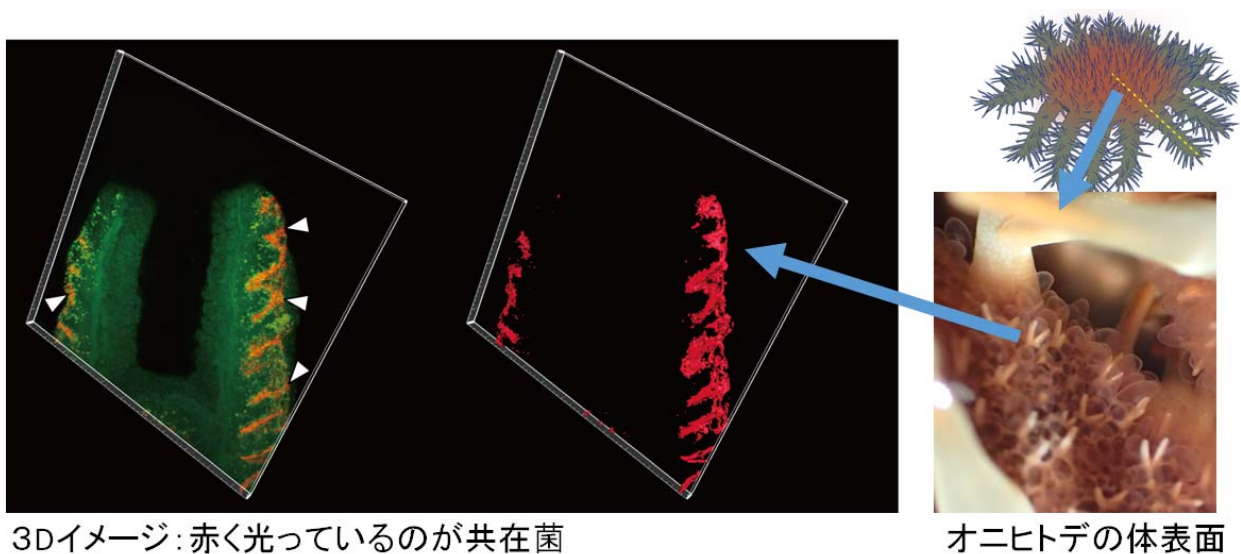
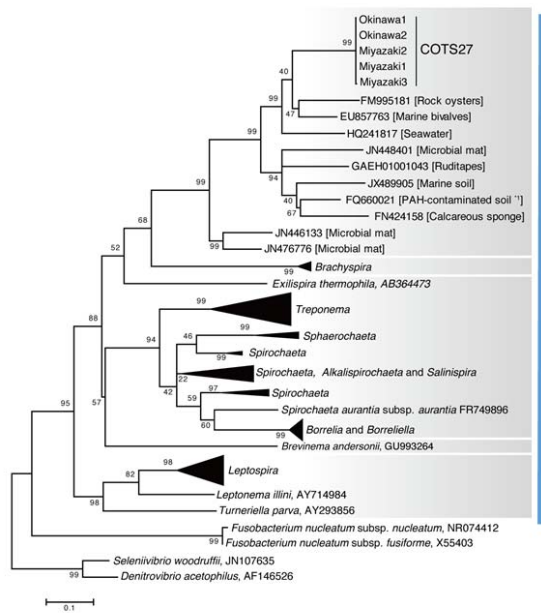


図3: FISH法による、オニヒトデ体表面における新規発見された細菌の分布

また、ホロゲノム解析という手法を用いて、この細菌の全ゲノム配列を決定することに成功しました。得られたゲノム情報を用いて解析した結果、この共生菌がスピロヘータ（梅毒・ライム病・ワイル病の原因菌が含まれる）の仲間ではあるものの、既知のスピロヘータとは大きく異なる新種の細菌であることが判明しました（図4）。ゲノム情報の詳細な解析からは、海水環境に適応するための遺伝子を持つことや、菌が移動するために必

要な鞭毛を持つにも関わらず、移動の方向性を決定するために必要な走化性に関わる遺伝子が見つからないことなど、既知の細菌と大きく異なる特徴が明らかになりました。



オニヒトデの体表の細菌(COTS27)

海由来の未分類の目

海産スピロヘータが遺伝的に近い→海で派生した系統

スピロヘータ門の未分類の目の中でも他の系統と大きく離れている

新しい科、属、種である可能性も！！
スピロヘータ門

図4：ゲノムの部分配列で構築した新規発見の細菌（COTS27）の系統樹

さらに、この細菌がオニヒトデに普遍的に存在しているのかを調べるために、イスラエル (*Acanthaster* sp. 紅海種)、タイ(インド洋北種 *Acanthaster planci*)、日本・オーストラリアグレートバリアリーフ・ハワイ (太平洋種 *Acanthaster* cf. *solaris*) で採取された3種のオニヒトデを調べたところ、全ての個体からこの共生細菌が見つかりました (図5)。つまり、これらのオニヒトデ3種は200万年前に分岐したと考えられているため、今回発見した細菌は200万年あるいはそれ以前からオニヒトデと共生していると考えられます。

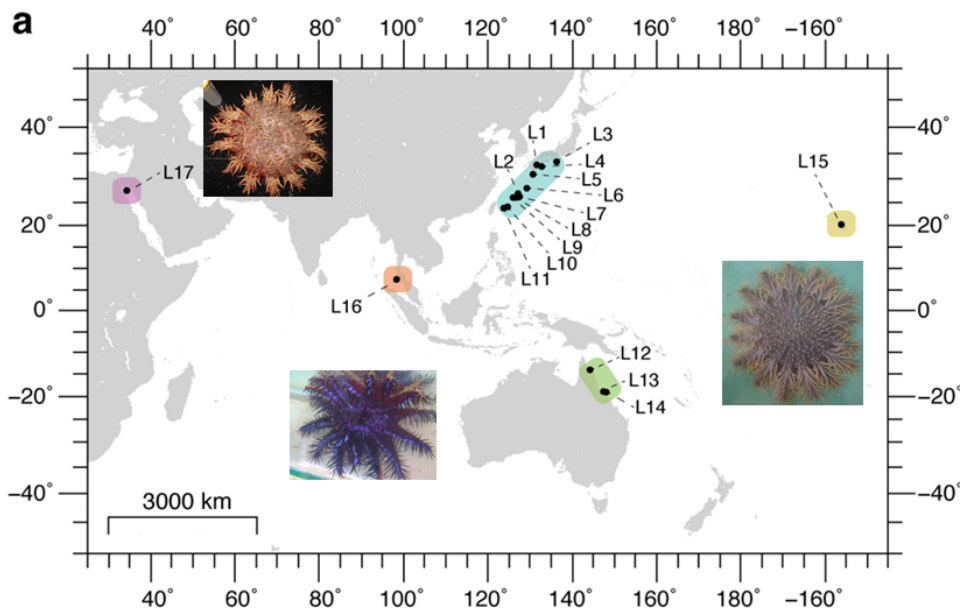


図5：細菌が発見された紅海、インド洋北、太平洋に分布するオニヒトデ

海洋生物と体表面に存在する細菌の共存関係における機能や役割はまだほとんどわかっていません。今回発見したオニヒトデ共生菌については、オニヒトデとの普遍的で緊密な共生関係から、オニヒトデにとって重要な役割を演じている可能性が高いと考えられますが、その機能については未だ不明です。また、培養にも成功できていません。しかし、全ゲノム配列が明らかにできており、さらに一種類の細菌が独占的に存在するという極めてシンプルな共生関係であることから、私達が見出したオニヒトデと細菌の共生系は、海洋生物とその体表面に共存する細菌の機能や役割についての研究を進める上で、非常に優れたモデル系になると期待されます。また、最終的には海水中の細菌数からオニヒトデの大量発生を予測したりモニタリングしたりする有効な手段となるかもしれません。

用語説明

細菌叢解析：細菌が共通にもつ部分遺伝子領域を人工的に増幅させ、どのような種類の細菌がどの程度いるのかを明らかにする解析。

ゲノム：生物が正常な生命活動を営むために必要な、遺伝子群を含む染色体のこと。

FISH法：Fluorescence in situ hybridization法（FISH法）のことで、蛍光物質をつけた合成遺伝子を標的rRNAにくっつけること（相補結合）で、蛍光顕微鏡下で可視化する方法。

ホロゲノム解析：生き物も含めその内外全部のゲノムを取得・解析する解析手法

スピロヘータ：らせん状の形態をした細菌のグループのこと。梅毒・ライム病・ワイル病の原因菌が含まれる。

PCR：Polymerase Chain Reactionの略で、人工的に限られた長さの遺伝子領域を増幅する技術のこと。

クチクラ層：体の表面を覆う層で、内部の保護の役割を果たしたりする層のこと。

発表雑誌

雑誌名：Microbiome

論文タイトル：A ubiquitous subcuticular bacterial symbiont of a coral predator, the crown-of-thorns starfish, in the Indo-Pacific

著者：Naohisa WADA; Hideaki YUASA; Rei KAJITANI; Yasuhiro GOTOH; Yoshitoshi OGURA; Dai YOSHIMURA; Atsushi TOYODA; Sen-Lin TANG; Yukihiro HIGASHIMURA; Hugh SWEATMAN; Zac FORSMAN; Omri BRONSTEIN; Gal EYAL; Naline THONGTHAM; Takehiko ITOH; Tetsuya HAYASHI; Nina YASUDA

DOI：10.1186/s40168-020-00880-3

研究グループ

宮崎大学農学研究科の安田仁奈准教授と、台湾アカデミアシニカの和田直久博士・Sen-Lin Tang 教授、東京工業大学生命理工学院 生命理工学系の伊藤武彦教授・梶谷嶺助教・湯浅英知特別研究員、九州大学大学院医学研究院の林哲也教授・後藤恭宏助教・小椋義俊准教授(現久留米大学教授)、国立遺伝学研究所の豊田敦特任教授らは、元東京工業大学生命理工学院 生命理工学系の吉村大博士、元宮崎大学農学研究科の東村幸浩氏、オーストラリア海洋科学研究所の Hugh Sweatman 博士、ハワイ海洋生物研究所の Zac Forceman 博士、テルアヴィヴ大学の Omri Bronstein 博士、クイーンズランド大学 Gasl Eyal 博士、プーケット海洋生物センターの Nalinee Thongtham 博士とともに研究を行いました。

問い合わせ先

<研究に関すること>

安田仁奈（宮崎大学農学部海洋生物環境学科・准教授）

E-mail : nina27@cc.miyazaki-u.ac.jp

林哲也（九州大学大学院医学研究院・教授）

Email : thayash@bact.med.kyushu-u.ac.jp

伊藤武彦（東京工業大学・教授）

Email : takehiko@bio.titech.ac.jp

<報道に関すること>

宮崎大学 企画総務部 総務広報課 広報係

TEL : 0985-58-7114 FAX : 0985-58-2886

九州大学 広報室

Mail: koho@jimu.kyushu-u.ac.jp

東京工業大学 総務部 広報課

E-mail : media@jim.titech.ac.jp

TEL : 03-5734-2975 FAX : 03-5734-3661